



GÉNOTYPAGE DES TUMEURS SOLIDES



DOCUMENT RECTO-VERSO

IMPORTANT : CHECK LIST AVANT ENVOI

✓ Que faut-il envoyer ?

• Pour les analyses de biologie moléculaire :

2 tubes secs de copeaux (5 copeaux à 5µ par tube)

A noter : si < 20% de cellules tumorales → les copeaux devront être réalisés après une macro-dissection. Si celle-ci n'est pas réalisable dans votre structure, merci de nous transmettre le bloc

• Pour les analyses FISH :

3 lames silanisées à 3µ pour chaque sonde

✓ Joindre obligatoirement une copie du compte rendu d'examen anatomo-pathologique correspondant au prélèvement

PATIENT

NOM

Prénom

Nom de naissance

Date de naissance : _____

Sexe :

MÉDECIN PRESCRIPTEUR RÉFÉRENT

NOM PRÉNOM

Adresse e-mail :

Cachet obligatoire

Signature :

CADRE À RENSEIGNER OBLIGATOIREMENT PAR LE PATHOLOGISTE (correspondant)

Date de prélèvement : _____

N°anapath :

Type de prélèvement :

 Biopsie Pièce opératoire (recommandé)Matériel envoyé Lames Copeaux Bloc

Cellularité tumorale sur le matériel transmis (%) : _____

Date d'envoi au labo Biologie Moléculaire : _____

Fixateur utilisé (formol préconisé) : Formol AFA Autre :

Cachet obligatoire

Signature :

Matériel tumoral à analyser :

- | | | | |
|-------------------------------------------|--------------------------------------------|------------------------------------|--------------------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Tumeur primitive | <input type="checkbox"/> Colorectal | <input type="checkbox"/> Sein | <input type="checkbox"/> Prostate |
| <input type="checkbox"/> Métastase | <input type="checkbox"/> Bronchopulmonaire | <input type="checkbox"/> Ovaire | <input type="checkbox"/> Vésicule biliaire |
| | <input type="checkbox"/> Estomac | <input type="checkbox"/> Endomètre | <input type="checkbox"/> Ganglion |
| | <input type="checkbox"/> Peau | <input type="checkbox"/> Foie | <input type="checkbox"/> Os |
| | <input type="checkbox"/> Pancréas | <input type="checkbox"/> Péritoine | <input type="checkbox"/> Autres : |



GÉNOTYPAGE DES TUMEURS SOLIDES



DOCUMENT RECTO-VERSO

CANCERS COLO-RECTAUX	GIST ET CANCERS GASTRIQUES
<input type="checkbox"/> KRAS-NRAS-BRAF-ERBB2-POLE (code OPL NGCOL) <input type="checkbox"/> KRAS-NRAS-BRAF (code OPL NGKNB) <input type="checkbox"/> KRAS-NRAS (code OPL NGRAS) <input type="checkbox"/> BRAF V600E (code OPL BRAVE) <input type="checkbox"/> MSI (code OPL MSI) <i>Statut MMR (IHC) si réalisé :</i> <input type="checkbox"/> Statut méthylation MLH1 (code OPL MEMLH)	<input type="checkbox"/> KIT et PDGFRA (code OPL KITPD) <input type="checkbox"/> HER2, amplification par FISH (code OPL FSEIN) <input type="checkbox"/> MSI (code OPL MSI) <i>Statut MMR (IHC) si réalisé :</i> <input type="checkbox"/> MET, amplification par FISH (code OPL FITOH)
CANCERS BRONCHOPULMONAIRES	CHOLANGIOPRÉCARCINOME
<input type="checkbox"/> EGFR, KRAS, BRAF, HER2, MET, STK11, KEAP1 (code OPL NGPOU) <input type="checkbox"/> ALK, ROS1, RET, NTRK1 à 3, MET, BRAF, FGFR1 à 3 <i>Recherche de fusion/exon skipping par RNAseq (code OPL RNAFU)</i> <input type="checkbox"/> EGFR (exons 18 à 21) (code OPL EGFRL) <input type="checkbox"/> Recherche de cible thérapeutique <input type="checkbox"/> Recherche de résistance aux ITK anti EGFR, <i>Préciser le traitement :</i> <input type="checkbox"/> EGFR-KRAS-BRAF (code OPL NGEKB) <input type="checkbox"/> ALK, translocation par FISH (code OPL ALKF1) <input type="checkbox"/> ROS1, translocation par FISH (code OPL FIROS) <input type="checkbox"/> MET, amplification par FISH (code OPL FITOH)	<input type="checkbox"/> IDH1, mutations (code OPL NGIDH) <input type="checkbox"/> FGFR1, réarrangement par FISH (code OPL FITOH) <input type="checkbox"/> FGFR2, réarrangement par FISH (code OPL FITOH) <input type="checkbox"/> MSI (code OPL MSI) <i>Statut MMR (IHC) si réalisé :</i>
TUMEURS GYNÉCOLOGIQUES	MÉLANOMES
<u>Tumeurs Ovaire / Péritoine / Trompe de Fallope</u> <input type="checkbox"/> BRCA1/2 tumoral et Statut HRD (N454) (code OPL HRD) <i>Le statut HRD nécessite une cellularité tumorale >20% à préciser au recto</i>	<input type="checkbox"/> BRAF+ NRAS+ C-KIT (code OPL NGMEL) <input type="checkbox"/> BRAF V600E (code OPL BRAVE)
CANCERS DU PANCRÉAS	NEUROLOGIE
<input type="checkbox"/> BRCA1/ BRCA2 tumoral et KRAS (N453) (code OPL NGPAN)	<input type="checkbox"/> 1p19q, délétion par FISH (code OPL FITOH) <input type="checkbox"/> IDH1 et IDH2 (code OPL NGIDH)
AUTRES EXAMENS	CANCERS DU SEIN
<input type="checkbox"/> Recherche de fusion/exon skipping à visé diagnostique/theranostique par RNAseq <i>ALK, ROS1, RET, NTRK1 à 3, MET, BRAF, FGFR1 à 3 (code OPL RNAFU)</i> <input type="checkbox"/> NTRK, réarrangement par FISH (code OPL FNTRK)	<input type="checkbox"/> BRCA1 et BRCA2 somatique (code OPL BRCAS) <input type="checkbox"/> HER2, amplification par FISH (code OPL FSEIN) <input type="checkbox"/> ETV6, réarrangement par FISH (code OPL FITOH) <input type="checkbox"/> PIK3CA (code OPL NGPIK)
<i>Merci de nous transmettre du tissu sain en plus du tissu tumoral pour étude conjointe</i>	
Pour toute autre demande merci de nous contacter Tél. : +33 (0)1 34 40 97 76 E-mail : ONCO@lab-cerba.com	

Composez votre panel NGS somatique Gènes étudiés :

<input type="checkbox"/> AKT1	<input type="checkbox"/> ALK	<input type="checkbox"/> BRAF	<input type="checkbox"/> CTNNB1	<input type="checkbox"/> EGFR	<input type="checkbox"/> ERBB2	<input type="checkbox"/> ERBB	<input type="checkbox"/> ESR1	<input type="checkbox"/> FOXL2	<input type="checkbox"/> GNA11	<input type="checkbox"/> GNAQ	<input type="checkbox"/> IDH1
<input type="checkbox"/> IDH2	<input type="checkbox"/> KEAP1	<input type="checkbox"/> KIT	<input type="checkbox"/> KRAS	<input type="checkbox"/> MET	<input type="checkbox"/> NRAS	<input type="checkbox"/> PDGFRA	<input type="checkbox"/> PIK3CA	<input type="checkbox"/> POLE	<input type="checkbox"/> RAF1	<input type="checkbox"/> RET	<input type="checkbox"/> STK11
<input type="checkbox"/> TP53											